



Fuerte riesgo génico de diabetes 2 en latinoamericanos

MADRID
REDACCION

Un equipo internacional de investigadores, el Consorcio Sigma, en México y Estados Unidos, ha descubierto un importante factor de riesgo genético para la diabetes tipo 2, que afecta principalmente a pacientes latinoamericanos, con esta enfer-

medad, pero que es muy raro en otros grupos poblacionales. En el estudio, que se publica hoy en el *JAMA*, se identificó una mutación en un gen denominado HNF1A, conocido como responsable de una rara forma hereditaria de diabetes. El descubrimiento sugiere la posibilidad de aplicar trata-

mientos individualizados basados en las características genéticas de los pacientes.

"Este factor de riesgo genético está presente en cerca del 2 por ciento de los mexicanos con diabetes tipo 2 y sus efectos son sustanciales, ya que aumentan cinco veces el riesgo de que una persona padezca esa

enfermedad", según José Flórez, de la Universidad de Harvard y del Massachusetts General Hospital.

El equipo realizó una secuenciación del exoma completo de muestras de 4.000 participantes. Sus principales resultados consistieron en la identificación de alteraciones en dos genes: el SLC16A11 y el HNF1A, pre-

sente en aproximadamente el 2 por ciento de los mexicanos que tienen diabetes tipo 2, pero en sólo una décima parte de los adultos saludables. En contraste, la mutación de HNF1A descrita en el estudio, a la que se ha denominado p.E508K, se considera como menos grave que las responsables de la diabetes tipo Mody.