

INVESTIGACIÓN Los análisis apuntan a que esta enfermedad se produce por factores genéticos además de por una mala alimentación y el sedentarismo de los niños

La obesidad infantil, a estudio

CÁDIZ

I.deT. Investigadores del Hospital Infantil de Filadelfia en Estados Unidos han identificado múltiples variaciones genéticas asociadas con la obesidad infantil. Los resultados del trabajo, que se publican en la revista 'American Journal of Human Genetics', guiarán futuros estudios dirigidos a la caracterización de los genes afectados para desentrañar la compleja biología que subyace a la obesidad infantil.

La obesidad es el principal factor de riesgo de la diabetes tipo 2 y las enfermedades cardiovasculares.

«A pesar de los cambios ambientales a lo largo de los pasados 30 años, en particular el suministro ilimitado de comidas altamente calóricas junto con un estilo de vida sedentario, existen también fuertes evidencias de un componente genético en el riesgo de obesidad», explica.

Los investigadores realizaron un análisis genético integral de un gran grupo de individuos pediátricos

descendientes de americanos europeos y africanos, algunos con obesidad común y otros con un peso corporal normal. Los autores del trabajo buscaban un tipo de mutación genética conocida como variación en el número de copias (VNC), un exceso o ausencia de copias de un gen particular. Los VNC se han asociado con muchas enfermedades humanas hereditarias, incluyendo la obesidad extrema.

«Queríamos complementar estos primeros estudios y dirigirnos a las VNC en la obesidad infantil común al examinar a niños por encima del percentil 5 de índice de masa corporal (IMC) pero excluyendo a aquellos con la obesidad más grave ya que tienen otros trastornos médicos que pueden confundir».

Los investigadores identificaron múltiples eliminaciones y duplicaciones de VNC que probablemente contribuyen a la susceptibilidad genética en la obesidad infantil común en individuos con ancestros europeos y africanos.

«Nuestro estudio representa el primero a gran escala con un análisis amplio de genoma de las VNC sin sesgos en la obesidad pediátrica y revela genes que reciben el impacto de las VNC y que son exclusivos de casos en dos etnias diferentes y que no se habían implicado antes directamente en el contexto de la obesidad y que esperan una posterior caracterización».

El investigador finaliza apuntando a la necesidad de futuros estudios que caractericen por completo la función de los genes en estas localizaciones.

Hasta ahora, estos estudios sólo se habían hecho en adultos

Este es un gran paso que aún requiere de mayor seguimiento



Un grupo de niños hace ejercicio en el gimnasio de un colegio.