



La genética va explicando cierta predisposición a la diabetes.

ENDOCRINOLOGÍA IVS5-13INSC ESTABA PRESENTE EN EL 7 U 8 POR CIENTO DE LOS PACIENTES

Variantes en el gen 'HMG1A', asociadas a diabetes de tipo 2

→ Un estudio que se publica hoy en *The Journal of the American Medical Association* ha analizado las variantes genéticas implicadas en el riesgo de desarrollar diabetes de tipo 2. El trabajo se ha realizado en tres poblaciones -italiana, fran-

cesa y estadounidense- de ascendencia europea. Así, los investigadores, de la Universidad italiana de Catanzaro, han visto que determinadas variaciones del gen *HMG1A* están asociadas con la diabetes de tipo 2.

■ Redacción

Para los individuos que descienden de los europeos determinadas variaciones del gen *HMG1A* están asociadas con la diabetes de tipo 2, según un estudio que se publica hoy en *The Journal of the American Medical Association*. El trabajo, coordinado por Antonio Brunetti, de la Universidad de Catanzaro, en Italia, incluye pacientes con diabetes de tipo 2 y controles procedentes de tres poblaciones de ascendencia europea. Los pacientes italianos con diabetes 2 (3.278) y dos grupos de pacientes control (3.328) fueron atendidos de forma ambulatoria en Calabria entre 2003 y 2009. Los pacientes estadounidenses con diabetes tipo 2 (970) fueron reclutados en California del Norte entre 1994 y 2005 y los controles (958) eran atletas sin diabetes evaluada entre 2004 y 2009. Los pacientes franceses con diabetes tipo 2 (354) y los controles sanos (50) fueron enrolados en la Universidad de Reims en 1992. El ADN genómico fue secuenciado o analizado para mutaciones específicas en el gen *HMG1A*.

Los investigadores han hallado que la variante más frecuente en *HMG1A*, IVS5-13insC, estaba presente en el 7 u 8 por ciento de los pacientes con diabetes 2 en las tres poblaciones. La prevalencia de esta variante era mayor entre los pacientes con este tipo de diabetes que entre los controles en la población italiana (el 7,23 por ciento frente al 0,43 por ciento en el primer grupo control, y el 7,23 por ciento frente al 3,32 por ciento en el otro grupo control).

Diagnóstico más claro

En un editorial acompañante, Abhimanyu Garg, de la Universidad de Texas, afirma que con el descubrimiento de nuevos *locus* para diabetes tipo 2 y desarrollo de un mejor entendimiento de los mecanismos moleculares este tipo de diabetes será reconocido de forma más clara.

■ (*JAMA*. 2011; 305 [9] 903-912).