



O.J.D.: 50707

E.G.M.: No hay datos

Tarifa: 620 €

Fecha: 03/10/2011

Sección: MEDICINA

Páginas: 14

ENDOCRINOLOGÍA

Un metanálisis muestra nuevos genes implicados en diabetes 1

■ Redacción

Un análisis sobre datos genéticos relacionados con la diabetes tipo 1 muestra nuevos genes asociados con la enfermedad metabólica. Los hallazgos, que se publican en el último número de *PLoS Genetics*, se suman al conocimiento de las redes genéticas involucradas en el origen de dicha patología.

"Los estudios de asociación genómica son muy importantes para identificar la localización de genes asociados", ha explicado Hakon Hakonarson, director del estudio y miembro del Centro de Genética Aplicada del Hospital Infantil de Filadelfia.

Cuanto mayor sea la cohorte utilizada, más descubrimientos podremos hacer y nos encontraremos con interesantes rutas biológicas que ofrezcan información sobre las causas de la enfermedad.

Los seis estudios incluyeron datos de aproximadamente 10.000 personas con la enfermedad y de 17.000 sujetos que formaban el grupo control. Se incluyeron datos de polimorfismos de nucleótido únicos (SNP).

Validación de datos

Además, para validar los resultados anteriores, se identificó y luego duplicaron tres SNP nuevos situados en regiones de interés biológico considerable, que están involucrados en las interacciones proteína-proteína, la actividad de la inflamación y la señalización celular. "Nuestro estudio encontró SNP de los que no suponíamos que tuvieran ninguna relación con la diabetes de tipo 1. La mayor asociación de los tres SNP se dio en la región del cromosoma 13 en los genes LMO7. Previamente asociamos otro miembro de la familia de los genes LMO con el neuroblastoma infantil. Esta familia de genes juega un papel importante en las interacciones proteína-proteína, pero se desconocía su acción en la diabetes".