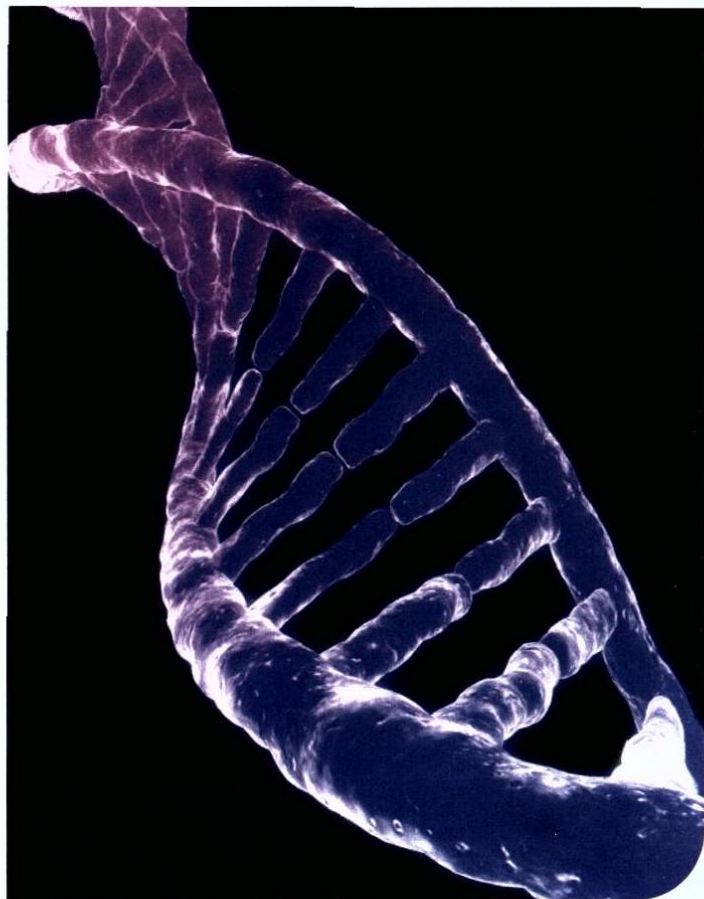




TEC) y el Instituto de Formación e Investigación Marqués de Valdecilla (IFIMAV), han descrito por primera vez la asociación de un gen determinado con la diabetes tipo 2. Los responsables del estudio consideran que estos resultados científicos, que acaban de ser publicados en la revista *Molecular Genetics and Metabolism*, abren nuevas vías para conocer mejor los mecanismos de la enfermedad e identificar nuevas dianas terapéuticas. El grupo de científicos analizó 27 variantes del gen de la Acetil Coenzima A carboxilasa en tres cohortes o conjuntos de individuos que presentan unos criterios comunes: mujeres normales, mujeres con obesidad y mujeres con diabetes. Los datos obtenidos indican que las personas portadoras de las variantes anómalas del gen pueden tener un riesgo de desarrollar diabetes hasta tres veces mayor que el de la población general. Este estudio de asociación se ha llevado a cabo en colaboración con científicos de la Universidad de Valencia y del Servicio de Endocrinología del Hospital Marqués de Valdecilla. La Acetil Coenzima A carboxilasa es una proteína involucrada en el control de la degradación de ácidos grasos. El descubrimiento de su asociación con la diabetes 2, aparte de aumentar el conocimiento de la base genética de la enfermedad, refuerza la idea de que la degradación de los ácidos grasos está relacionada con el desarrollo de la enfermedad. Cerca del 90 por ciento de todos los diabéticos tiene el tipo 2, no insulino dependiente, que generalmente se inicia después de los 40 años y afecta principalmente a personas obesas. Aunque se sabe que los factores genéticos son importantes en la susceptibilidad a la enfermedad, los factores ambientales también influyen en que ésta llegue a desarrollarse o no ■



Investigadores de la UC, IBBTEC e IFIMAV descubren la asociación de un gen con la diabetes tipo 2

Un equipo de investigadores de la Universidad de Cantabria, el Instituto de Biomedicina y Biotecnología de Cantabria (IBB-